

- k_Bacteria;p_Actinobacteria;c_Actinobacteria;o_Corynebacteriales;f_Corynebacteriaceae;g_Corynebacterium;s_matruchotii
- k_Bacteria;p_Actinobacteria;c_Actinobacteria;o_Corynebacteriales;f_Corynebacteriaceae;g_Corynebacterium;s_matruchotii_nov_97.17%
- k_Bacteria;p_Bacteroidetes;c_Bacteroidia;o_Bacteroidales;f_Prevotellaceae;g_Prevotella;s_loescheii
- k_Bacteria;p_Bacteroidetes;c_Bacteroidia;o_Bacteroidales;f_Prevotellaceae;g_Prevotella;s_sp_oral_taxon_472
- k_Bacteria;p_Bacteroidetes;c_Flavobacteriia;o_Flavobacteriales;f_Flavobacteriaceae;g_Capnocytophaga;s_gingivalis
- k_Bacteria;p_Bacteroidetes;c_Flavobacteriia;o_Flavobacteriales;f_Flavobacteriaceae;g_Capnocytophaga;s_granulosa
- k_Bacteria;p_Bacteroidetes;c_Flavobacteriia;o_Flavobacteriales;f_Flavobacteriaceae;g_Capnocytophaga;s_leadbetteri
- k_Bacteria;p_Bacteroidetes;c_Flavobacteriia;o_Flavobacteriales;f_Flavobacteriaceae;g_Capnocytophaga;s_sp_oral_taxon_336
- k_Bacteria;p_Firmicutes;c_Bacilli;o_Lactobacillales;f_Streptococcaceae;g_Streptococcus;s_mitis
- k_Bacteria;p_Fusobacteria;c_Fusobacteriia;o_Fusobacteriales;f_Fusobacteriaceae;g_Fusobacterium;s_nucleatum_subsp_polymorphum
- k_Bacteria;p_Fusobacteria;c_Fusobacteriia;o_Fusobacteriales;f_Leptotrichiaceae;g_Leptotrichia;s_buccalis
- k_Bacteria;p_Fusobacteria;c_Fusobacteriia;o_Fusobacteriales;f_Leptotrichiaceae;g_Leptotrichia;s_hofstadii
- k_Bacteria;p_Fusobacteria;c_Fusobacteriia;o_Fusobacteriales;f_Leptotrichiaceae;g_Leptotrichia;s_sp_oral_taxon_212
- k_Bacteria;p_Fusobacteria;c_Fusobacteriia;o_Fusobacteriales;f_Leptotrichiaceae;g_Leptotrichia;s_sp_oral_taxon_225
- k_Bacteria;p_Fusobacteria;c_Fusobacteriia;o_Fusobacteriales;f_Leptotrichiaceae;g_Leptotrichia;s_sp_oral_taxon_392
- k_Bacteria;p_Fusobacteria;c_Fusobacteriia;o_Fusobacteriales;f_Leptotrichiaceae;g_Leptotrichia;s_sp_oral_taxon_498
- k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Betaproteobacteria;o_Neisseriales;f_Neisseriaceae;g_Neisseria;s_elongata
- k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Epsilonproteobacteria;o_Campylobacteriales;f_Campylobacteraceae;g_Campylobacter;s_showae
- k_Bacteria;p_Proteobacteria;c_Gammaproteobacteria;o_Cardiobacteriales;f_Cardiobacteriaceae;g_Cardiobacterium;s_valvarum_nov_95.28%